

# RAW SEQUENCE LISTING

EFS

The Biotechnology Systems Branch of the Scientific and Technical  
Information Center (STIC) no errors detected.

Application Serial Number: 09/743,818B  
Source: IFW/b.  
Date Processed by STIC: 2/1/07

# ***ENTERED***



IFW16

## RAW SEQUENCE LISTING

DATE: 02/01/2007

PATENT APPLICATION: US/09/743,818B

TIME: 08:03:44

Input Set : N:\efs\01\_31\_07\09743818B\_efs\GHC11USA\_CRF.txt

Output Set: N:\CRF4\02012007\I743818B.raw

3 <110> APPLICANT: Weiss, Anthony S.  
 5 <120> TITLE OF INVENTION: Protease Susceptibility II  
 7 <130> FILE REFERENCE: GHC11USA  
 9 <140> CURRENT APPLICATION NUMBER: US 09/743,818B  
 10 <141> CURRENT FILING DATE: 2001-04-26  
 12 <150> PRIOR APPLICATION NUMBER: AU PP4723  
 13 <151> PRIOR FILING DATE: 1998-07-17  
 15 <150> PRIOR APPLICATION NUMBER: PCT/AU99/00580  
 16 <151> PRIOR FILING DATE: 1999-07-19  
 18 <160> NUMBER OF SEQ ID NOS: 106  
 20 <170> SOFTWARE: PatentIn version 3.2  
 22 <210> SEQ ID NO: 1  
 23 <211> LENGTH: 2106  
 24 <212> TYPE: DNA  
 25 <213> ORGANISM: Homo sapiens  
 27 <400> SEQUENCE: 1

28 atgggtggcg ttccgggtgc tatcccggtt ggcgttcggt gtggtgtatt ctaccagggc 60  
 30 gcgggtctgg gtgcactggg cgggtggtgc ctgggcccgg gtggtaaacc gctgaaaccg 120  
 32 gttccaggcg gtctggcagg tgctggtctg ggtgcaggtc tgggcgcggt cccggcggtt 180  
 34 accttcccgg gtgctctggt tccgggtggc gttgcagacg cagctgctgc gtacaaagcg 240  
 36 gcaaaggcag gtgcgggtct gggcggggta ccagggtgtg gcggtctggg tgtatctgct 300  
 38 ggcgcagttg ttccgcagcc ggggtgcagg gtataaacgg gcaaagttcc aggtgttggt 360  
 40 ctgccggggc tatacccggg tgggtgttct cggggcgcgc gtttcccagg tgttggtgta 420  
 42 ctgccggggc ttccgaccgg tgcagggtgt aaaccgaagg caccagggtg aggcggcgcg 480  
 44 ttccggggta tcccggtgtg tggcccggtc ggtggtccgc agccaggcgt tccgctgggt 540  
 46 taccgatca aagcgccgaa gcttccagg gtgtacggtc tgccgtacac caccggtaaa 600  
 48 ctgccgtacg gctacgggtc ggggtggcga gcagggtgtg cgggtaaaag aggtaccca 660  
 50 accggtactg gtgttggtcc gcaggctgct gcggcagctg cggcgaaggc agcagcaaaa 720  
 52 ttccggcgcg gtgcagcggg tgttctgcgc ggcgtagggt gtgctggcgt tccgggtggt 780  
 54 ccagggtcga tcccgggcat cgggtgtatc gcaggcgtag gtactccggc ggccgctgcg 840  
 56 gctgcggcag ctgcggcgaa agcagctaaa tacgggtgcg cagcaggcct gggtccgggt 900  
 58 ggtccaggct tcgggtccgg tgttgtaggc gttccgggtg ctggtgttcc gggcgtagggt 960  
 60 gttccagggt cgggcatccc ggttgtagcg ggtgcaggta tcccgggcgc tgcggttcca 1020  
 62 ggtgttgtag ccccggaagc ggcagctaag gctgctgcga aagctgcgaa atacggagct 1080  
 64 cgtccggggc ttggtgttgg tggcatcccg acctacggtg taggtgcagg cggtttccca 1140  
 66 ggtttccggc ttggtgttgg tggcatcccg ggtgtagctg gtgttccgct tgttggtggc 1200  
 68 gtaccgggtg ttggtggcgt tccagggtga ggtatctccc cggaagcgca ggcagctgcg 1260  
 70 gcagctaaag cagcgaagta cggcgttggt actccggcgg cagcagctgc taaagcagcg 1320  
 72 gctaaagcag cgcagttcgg actagttccg ggcgtagggt ttgcgccagg tgttgccgta 1380  
 74 gcaccgggtg ttggtgttgc tccgggcgta ggtctggcac cgggtgttgg cgttgccacca 1440  
 76 ggtgtagggt ttgcgccggg cgttggtgta gcaccgggta tcgggtccggg tggcgttgcg 1500  
 78 gctgctgcga aatctgctgc gaaggttgct gcgaaagcgc agctgcgtgc agcagctggt 1560  
 80 ctgggtgcgg gcatcccagg tctgggtgta ggtgttggtg ttccgggcct ggggtgtaggt 1620

*see p. 6*

## RAW SEQUENCE LISTING

DATE: 02/01/2007

PATENT APPLICATION: US/09/743,818B

TIME: 08:03:44

Input Set : N:\efs\01\_31\_07\09743818B\_efs\GHC11USA\_CRF.txt

Output Set: N:\CRF4\02012007\I743818B.raw

```

82 gcaggggtac cgggcctggg tgttggtgca ggcgttcagg gtttcgggtgc tgttcggggc 1680
84 gcgctggctg ctgcgaaagc ggcgaaatac ggtgcagcgg ttccgggtgt actgggcggg 1740
86 ctgggtgctc tgggcgggtgt tggatatccg ggcgggtgtt taggtgcagg ccagctgca 1800
88 gctgctgctg cggcaaagc agcggcgaaa gcagctcagt tcgggtctgt tgggtgcagca 1860
90 ggtctggggc gtctgggtgt tggcgggtct ggtgtaccgg gcgttggtgg tctgggtggc 1920
92 atcccgccgg cggcggcagc taaagcggct aaatacgggt cagcaggtct ggggtggcgtt 1980
94 ctgggtgggt ctggtcagtt cccactgggc ggtgtagcgg cagtcgggg tttcgggtctg 2040
96 tccccgatct tcccaggcgg tgcattgctg ggtaaagctt gcggccgtaa acgtaaataa 2100
98 tgatag 2106
101 <210> SEQ ID NO: 2
102 <211> LENGTH: 1992
103 <212> TYPE: DNA
104 <213> ORGANISM: Homo sapiens
106 <400> SEQUENCE: 2
107 atgggtggcg ttccgggtgc tgttcggggg ggcgttcagg gtggtgtatt ctaccaggc 60
109 gcggttttcg gtgctgttcc ggggtggcgt gcagacgcag ctgctgcgta caaagcggca 120
111 aaggcaggtg cgggtctggg cgggggtacca ggtgttggcg gtctgggtgt atctgctggc 180
113 gcagttgttc cgcagccggg tgcaggtgta aaaccgggca aagttccagg tgttggtctg 240
115 cggggcgat acccgggttt cgggtgctgt ccgggcgcgc gtttccagg tgttggtgta 300
117 ctgcggggcg ttccgaccgg tgcaggtgtt aaaccgaagg caccaggtgt aggcggcgcg 360
119 ttgcggggta tcccgggtgt tggcccgttc ggtggtccgc agccaggcgt tccgctgggt 420
121 taccgatca aagcgcgaa gcttccagg ggtacggtc tgccgtacac caccggtaaa 480
123 ctgccgtacg gctacggtcc ggggtggcgt gcaggtgctg cgggtaaagc aggtaccaca 540
125 accggtactg gtgttggtcc gcaggtgct gcggcagctg cggcgaaggc agcagcaaaa 600
127 ttccggcgcg gtgcagcggg tttcgggtgt gttccggggc taggtggtgc tggcgttcgg 660
129 ggtgttccag gtgcgatccc gggcatcggg ggtatcgag gcgtaggtac tccggcggcc 720
131 gctgcggctg cggcagctgc ggcgaaagca gctaaatac gtgcggcagc aggcctgggt 780
133 cgggtgggtc caggttcggg tccgggtgtt gtaggcgttc cgggtttcgg tgcgttcgg 840
135 ggcgtaggtg ttccaggtgc gggcatcccg gttgtaccgg gtgcaggtat cccgggcgct 900
137 gcggttttcg gtgctgtatc cccggaagcg gcagctaagg ctgctgcgaa agctgcgaaa 960
139 tacggagctc gtccgggcgt tgggtgttgg ggcattccga cctacgggtg aggtgcaggc 1020
141 ggtttccag gtttcggcgt tgggtgttgg ggcattccgg gtgtagctgg tgttcggtct 1080
143 gttggtggcg taccgggtgt tgggtggcgt ccaggtgtag gtatctcccc ggaagcgcag 1140
145 gcagctgcgg cagctaaagc agcgaagtac ggcgttggta ctccggcggc agcagctgct 1200
147 aaagcagcgg ctaaagcagc gcagttcgga ctagttccgg gcgtaggtgt tgcgccaggt 1260
149 gttggcgtag caccgggtgt tgggtgtgct ccgggcgtag gtctggcacc ggggtgttggc 1320
151 gttgcaccag gtgtaggtgt tgcgcggggc gttggtgtag caccgggtat cgggtccgggt 1380
153 ggcgttgagg ctgctgcgaa atctgctgcg aaggttgcgt cgaaagcgca gctgcgtgca 1440
155 gcagctggtc tgggtgcggg catcccagg ctgggtgtag gtgttggtgt tccgggcctg 1500
157 ggtgtaggtg caggggtacc gggcctgggt gttggtgcag gcgttcgggg tttcgggtgt 1560
159 gttccggggc cgtggtgctg tgcgaaagcg gcgaaatac gtgctgttcc ggggtgtactg 1620
161 ggcgggtctg gtgctctggg cgggtgttgg atcccgggcg gtgtttagg tgcaggccca 1680
163 gctgcagctg ctgctgcggc aaaggcagcg gcgaaagcag ctcatgtcgg tctggttggg 1740
165 gcagcaggtc tgggcgggtc ggggtgttgg ggtctgggtg taccgggcgt tgggtgtctg 1800
167 ggtggcatcc cgccggcggc ggcagctaaa gcggctaaat acggtgcagc aggtctgggt 1860
169 ggcgttctgg gtggtgctgg tcagttccca ctgggcgggt tagcggcacg tccgggttcc 1920
171 ggtctgtccc cgatcttccc aggcgggtgca tgctgggta aagcttgcgg ccgtaaacgt 1980
173 aaataatgat ag 1992
176 <210> SEQ ID NO: 3

```

## RAW SEQUENCE LISTING

DATE: 02/01/2007

PATENT APPLICATION: US/09/743,818B

TIME: 08:03:44

Input Set : N:\efs\01\_31\_07\09743818B\_efs\GHC11USA\_CRF.txt

Output Set: N:\CRF4\02012007\I743818B.raw

```

177 <211> LENGTH: 2210
178 <212> TYPE: DNA
179 <213> ORGANISM: Homo sapiens
182 <220> FEATURE:
183 <221> NAME/KEY: CDS
184 <222> LOCATION: (9)..(2201)
186 <400> SEQUENCE: 3
187 gatccatg ggt ggc gtt ccg ggt gct atc ccg ggt ggc gtt ccg ggt ggt      50
188      Gly Gly Val Pro Gly Ala Ile Pro Gly Gly Val Pro Gly Gly
189      1          5          10
191 gta ttc tac cca ggc gcg ggt ctg ggt gca ctg ggc ggt ggt gcg ctg      98
192 Val Phe Tyr Pro Gly Ala Gly Leu Gly Ala Leu Gly Gly Gly Ala Leu
193 15          20          25          30
195 ggc ccg ggt ggt aaa ccg ctg aaa ccg gtt cca ggc ggt ctg gca ggt      146
196 Gly Pro Gly Gly Lys Pro Leu Lys Pro Val Pro Gly Gly Leu Ala Gly
197          35          40          45
199 gct ggt ctg ggt gca ggt ctg ggc gcg ttc ccg gcg gtt acc ttc ccg      194
200 Ala Gly Leu Gly Ala Gly Leu Gly Ala Phe Pro Ala Val Thr Phe Pro
201          50          55          60
203 ggt gct ctg gtt ccg ggt ggc gtt gca gac gca gct gct gcg tac aaa      242
204 Gly Ala Leu Val Pro Gly Gly Val Ala Asp Ala Ala Ala Tyr Lys
205          65          70          75
207 gcg gca aag gca ggt gcg ggt ctg ggc ggg gta cca ggt gtt ggc ggt      290
208 Ala Ala Lys Ala Gly Ala Gly Leu Gly Gly Val Pro Gly Val Gly Gly
209          80          85          90
211 ctg ggt gta tct gct ggc gca gtt gtt ccg cag ccg ggt gca ggt gta      338
212 Leu Gly Val Ser Ala Gly Ala Val Val Pro Gln Pro Gly Ala Gly Val
213 95          100          105          110
215 aaa ccg ggc aaa gtt cca ggt gtt ggt ctg ccg ggc gta tac ccg ggt      386
216 Lys Pro Gly Lys Val Pro Gly Val Gly Leu Pro Gly Val Tyr Pro Gly
217          115          120          125
219 ggt gtt ctg ccg ggc gcg cgt ttc cca ggt gtt ggt gta ctg ccg ggc      434
220 Gly Val Leu Pro Gly Ala Arg Phe Pro Gly Val Gly Val Leu Pro Gly
221          130          135          140
223 gtt ccg acc ggt gca ggt gtt aaa ccg aag gca cca ggt gta ggc ggc      482
224 Val Pro Thr Gly Ala Gly Val Lys Pro Lys Ala Pro Gly Val Gly Gly
225          145          150          155
227 gcg ttc gcg ggt atc ccg ggt gtt ggc ccg ttc ggt ggt ccg cag cca      530
228 Ala Phe Ala Gly Ile Pro Gly Val Gly Pro Phe Gly Gly Pro Gln Pro
229          160          165          170
231 ggc gtt ccg ctg ggt tac ccg atc aaa gcg ccg aag ctt cca ggt ggc      578
232 Gly Val Pro Leu Gly Tyr Pro Ile Lys Ala Pro Lys Leu Pro Gly Gly
233 175          180          185          190
235 tac ggt ctg ccg tac acc acc ggt aaa ctg ccg tac ggc tac ggt ccg      626
236 Tyr Gly Leu Pro Tyr Thr Thr Gly Lys Leu Pro Tyr Gly Tyr Gly Pro
237          195          200          205
239 ggt ggc gta gca ggt gct gcg ggt aaa gca ggc tac cca acc ggt act      674
240 Gly Gly Val Ala Gly Ala Ala Gly Lys Ala Gly Tyr Pro Thr Gly Thr
241          210          215          220

```

## RAW SEQUENCE LISTING

DATE: 02/01/2007

PATENT APPLICATION: US/09/743,818B

TIME: 08:03:44

Input Set : N:\efs\01\_31\_07\09743818B\_efs\GHC11USA\_CRF.txt

Output Set: N:\CRF4\02012007\I743818B.raw

243	ggt gtt ggt ccg cag gct gct gcg gca gct gcg gcg aag gca gca gca	722
244	Gly Val Gly Pro Gln Ala Ala Ala Ala Ala Ala Lys Ala Ala Ala	
245	225 230 235	
247	aaa ttc ggc gcg ggt gca gcg ggt gtt ctg ccg ggc gta ggt ggt gct	770
248	Lys Phe Gly Ala Gly Ala Ala Gly Val Leu Pro Gly Val Gly Gly Ala	
249	240 245 250	
251	ggc gtt ccg ggt gtt cca ggt gcg atc ccg ggc atc ggt ggt atc gca	818
252	Gly Val Pro Gly Val Pro Gly Ala Ile Pro Gly Ile Gly Gly Ile Ala	
253	255 260 265 270	
255	ggc gta ggt act ccg gcg gcc gct gcg gct gcg gca gct gcg gcg aaa	866
256	Gly Val Gly Thr Pro Ala Ala Ala Ala Ala Ala Ala Ala Ala Lys	
257	275 280 285	
259	gca gct aaa tac ggt gcg gca gca ggc ctg gtt ccg ggt ggt cca ggc	914
260	Ala Ala Lys Tyr Gly Ala Ala Ala Gly Leu Val Pro Gly Gly Pro Gly	
261	290 295 300	
263	ttc ggt ccg ggt gtt gta ggc gtt ccg ggt gct ggt gtt ccg ggc gta	962
264	Phe Gly Pro Gly Val Val Gly Val Pro Gly Ala Gly Val Pro Gly Val	
265	305 310 315	
267	ggt gtt cca ggt gcg ggc atc ccg gtt gta ccg ggt gca ggt atc ccg	1010
268	Gly Val Pro Gly Ala Gly Ile Pro Val Val Pro Gly Ala Gly Ile Pro	
269	320 325 330	
271	ggc gct gcg gtt cca ggt gtt gta tcc ccg gaa gcg gca gct aag gct	1058
272	Gly Ala Ala Val Pro Gly Val Val Ser Pro Glu Ala Ala Ala Lys Ala	
273	335 340 345 350	
275	gct gcg aaa gct gcg aaa tac gga gct cgt ccg ggc gtt ggt gtt ggt	1106
276	Ala Ala Lys Ala Ala Lys Tyr Gly Ala Arg Pro Gly Val Gly Val Gly	
277	355 360 365	
279	ggc atc ccg acc tac ggt gta ggt gca ggc ggt ttc cca ggt ttc ggc	1154
280	Gly Ile Pro Thr Tyr Gly Val Gly Ala Gly Gly Phe Pro Gly Phe Gly	
281	370 375 380	
283	ggt ggt gtt ggt ggc atc ccg ggt gta gct ggt gtt ccg tct gtt ggt	1202
284	Val Gly Val Gly Gly Ile Pro Gly Val Ala Gly Val Pro Ser Val Gly	
285	385 390 395	
287	ggc gta ccg ggt gtt ggt ggc gtt cca ggt gta ggt atc tcc ccg gaa	1250
288	Gly Val Pro Gly Val Gly Gly Val Pro Gly Val Gly Ile Ser Pro Glu	
289	400 405 410	
291	gcg cag gca gct gcg gca gct aaa gca gcg aag tac ggc gtt ggt act	1298
292	Ala Gln Ala Ala Ala Ala Ala Lys Ala Ala Lys Tyr Gly Val Gly Thr	
293	415 420 425 430	
295	ccg gcg gca gca gct gct aaa gca gcg gct aaa gca gcg cag ttc gga	1346
296	Pro Ala Ala Ala Ala Ala Lys Ala Ala Ala Lys Ala Ala Gln Phe Gly	
297	435 440 445	
299	cta gtt ccg ggc gta ggt gtt gcg cca ggt gtt ggc gta gca ccg ggt	1394
300	Leu Val Pro Gly Val Gly Val Ala Pro Gly Val Gly Val Ala Pro Gly	
301	450 455 460	
303	ggt ggt gtt gct ccg ggc gta ggt ctg gca ccg ggt gtt ggc gtt gca	1442
304	Val Gly Val Ala Pro Gly Val Gly Leu Ala Pro Gly Val Gly Val Ala	
305	465 470 475	
307	cca ggt gta ggt gtt gcg ccg ggc gtt ggt gta gca ccg ggt atc ggt	1490

## RAW SEQUENCE LISTING

DATE: 02/01/2007

PATENT APPLICATION: US/09/743,818B

TIME: 08:03:44

Input Set : N:\efs\01\_31\_07\09743818B\_efs\GHC11USA\_CRF.txt

Output Set: N:\CRF4\02012007\I743818B.raw

```

308 Pro Gly Val Gly Val Ala Pro Gly Val Gly Val Ala Pro Gly Ile Gly
309      480                      485                      490
311 ccg ggt ggc gtt gcg gct gct gcg aaa tct gct gcg aag gtt gct gcg      1538
312 Pro Gly Gly Val Ala Ala Ala Ala Lys Ser Ala Ala Lys Val Ala Ala
313 495                      500                      505                      510
315 aaa gcg cag ctg cgt gca gca gct ggt ctg ggt gcg ggc atc cca ggt      1586
316 Lys Ala Gln Leu Arg Ala Ala Ala Gly Leu Gly Ala Gly Ile Pro Gly
317                      515                      520                      525
319 ctg ggt gta ggt gtt ggt gtt ccg ggc ctg ggt gta ggt gca ggg gta      1634
320 Leu Gly Val Gly Val Gly Val Pro Gly Leu Gly Val Gly Ala Gly Val
321                      530                      535                      540
323 ccg ggc ctg ggt gtt ggt gca ggc gtt ccg ggt ttc ggt gct ggc gcg      1682
324 Pro Gly Leu Gly Val Gly Ala Gly Val Pro Gly Phe Gly Ala Gly Ala
325                      545                      550                      555
327 gac gaa ggt gta cgt cgt tcc ctg tct cca gaa ctg cgt gaa ggt gac      1730
328 Asp Glu Gly Val Arg Arg Ser Leu Ser Pro Glu Leu Arg Glu Gly Asp
329 560                      565                      570
331 ccg tcc tct tcc cag cac ctg ccg tct acc ccg tcc tct cca cgt gtt      1778
332 Pro Ser Ser Ser Gln His Leu Pro Ser Thr Pro Ser Ser Pro Arg Val
333 575                      580                      585                      590
335 ccg ggc gcg ctg gct gct gcg aaa gcg gcg aaa tac ggt gca gcg gtt      1826
336 Pro Gly Ala Leu Ala Ala Ala Lys Ala Ala Lys Tyr Gly Ala Ala Val
337                      595                      600                      605
339 ccg ggt gta ctg ggc ggt ctg ggt gct ctg ggc ggt gtt ggt atc ccg      1874
340 Pro Gly Val Leu Gly Gly Leu Gly Ala Leu Gly Gly Val Gly Ile Pro
341                      610                      615                      620
343 ggc ggt gtt gta ggt gca ggc cca gct gca gct gct gct gcg gca aag      1922
344 Gly Gly Val Val Gly Ala Gly Pro Ala Ala Ala Ala Ala Ala Ala Lys
345                      625                      630                      635
347 gca gcg gcg aaa gca gct cag ttc ggt ctg gtt ggt gca gca ggt ctg      1970
348 Ala Ala Ala Lys Ala Ala Gln Phe Gly Leu Val Gly Ala Ala Gly Leu
349 640                      645                      650
351 ggc ggt ctg ggt gtt ggc ggt ctg ggt gta ccg ggc gtt ggt ggt ctg      2018
352 Gly Gly Leu Gly Val Gly Gly Leu Gly Val Pro Gly Val Gly Gly Leu
353 655                      660                      665                      670
355 ggt ggc atc ccg ccg gcg gcg gca gct aaa gcg gct aaa tac ggt gca      2066
356 Gly Gly Ile Pro Pro Ala Ala Ala Ala Lys Ala Ala Lys Tyr Gly Ala
357                      675                      680                      685
359 gca ggt ctg ggt ggc gtt ctg ggt ggt gct ggt cag ttc cca ctg ggc      2114
360 Ala Gly Leu Gly Gly Val Leu Gly Gly Ala Gly Gln Phe Pro Leu Gly
361                      690                      695                      700
363 ggt gta gcg gca cgt ccg ggt ttc ggt ctg tcc ccg atc ttc cca ggc      2162
364 Gly Val Ala Ala Arg Pro Gly Phe Gly Leu Ser Pro Ile Phe Pro Gly
365                      705                      710                      715
367 ggt gca tgc ctg ggt aaa gct tgc ggc cgt aaa cgt aaa taatgatag      2210
368 Gly Ala Cys Leu Gly Lys Ala Cys Gly Arg Lys Arg Lys
369 720                      725                      730
372 <210> SEQ ID NO: 4
373 <211> LENGTH: 731

```

RAW SEQUENCE LISTING ERROR SUMMARY  
PATENT APPLICATION: US/09/743,818B

DATE: 02/01/2007  
TIME: 08:03:45

Input Set : N:\efs\01\_31\_07\09743818B\_efs\GHC11USA\_CRF.txt  
Output Set: N:\CRF4\02012007\I743818B.raw

*FYI*  
Please Note:

Use of n and/or Xaa have been detected in the Sequence Listing. Please review the Sequence Listing to ensure that a corresponding explanation is presented in the <220> to <223> fields of each sequence which presents at least one n or Xaa.

Seq#:82; Xaa Pos. 9,16,19

Invalid <213> Response:

Use of "Artificial" only as "<213> Organism" response is incomplete, per 1.823(b) of New Sequence Rules. Valid response is Artificial Sequence.

Seq#:82,89,90,91,92,93,94,95,96,97,98,99,100

**VERIFICATION SUMMARY**

DATE: 02/01/2007

PATENT APPLICATION: US/09/743,818B

TIME: 08:03:45

Input Set : N:\efs\01\_31\_07\09743818B\_efs\GHC11USA\_CRF.txt

Output Set: N:\CRF4\02012007\I743818B.raw

L:2156 M:341 W: (46) "n" or "Xaa" used, for SEQ ID#:82 after pos.:0

M:341 Repeated in SeqNo=82